

王泽平, 沈 婕, 赵为民, 等. 热应激对猪颗粒细胞蛋白质表达谱的影响[J]. 江苏农业学报, 2022, 38(6): 1569-1577.
doi: 10.3969/j.issn.1000-4440.2022.06.015

热应激对猪颗粒细胞蛋白质表达谱的影响

王泽平¹, 沈 婕^{2,3}, 赵为民², 付言峰², 李碧侠², 任守文², 程金花², 李 辉²

(1.江苏省农业科学院宿迁市农业科学研究所, 江苏 宿迁 223800; 2.江苏省农业科学院畜牧研究所, 江苏 南京 210014;
3.广西大学动物科学技术学院, 广西 南宁 530005)

摘要: 为系统探究热应激对猪颗粒细胞蛋白质表达的影响,本研究将分离培养的猪颗粒细胞分别在 37 ℃ (对照组)和 41 ℃ (热应激组)处理后,用同位素标记相对和绝对定量(iTRAQ)技术对细胞的蛋白质差异表达情况进行分析,并对差异表达蛋白质进行 GO 功能注释和 KEGG 通路分析。本研究共鉴定到 5 451 个蛋白质,差异表达蛋白质 289 个,其中上调表达蛋白质 162 个,下调表达蛋白质 127 个。对筛选出的差异表达蛋白质进行 KEGG 通路分析发现,差异表达蛋白质主要富集到蛋白质加工、胞吞、RNA 降解、氧化磷酸化、嘌呤代谢、泛素化蛋白质降解、次级代谢产物的生物合成、糖酵解/糖异生以及胞间紧密连接等信号通路中。说明这些差异表达蛋白质及其富集的通路可能参与热应激对猪颗粒细胞功能影响的过程中。因此,本研究结果为深入了解热应激导致母猪繁殖障碍的分子机理提供了参考。

关键词: 同位素标记相对和绝对定量(iTRAQ); 猪; 热应激; 颗粒细胞

中图分类号: S828 **文献标识码:** A **文章编号:** 1000-4440(2022)06-1569-09

Effects of heat stress on protein expression profiles in porcine granulosa cells

WANG Ze-ping¹, SHEN Jie^{2,3}, ZHAO Wei-min², FU Yan-feng², LI Bi-xia², REN Shou-wen²,
CHENG Jin-hua², LI Hui²

(1.Suqian Institute of Agricultural Sciences, Jiangsu Academy of Agricultural Sciences, Suqian 223800, China; 2.Institute of Animal Science, Jiangsu Academy of Agricultural Sciences, Nanjing 210014, China; 3.College of Animal Science and Technology, Guangxi University, Nanning 530005, China)

Abstract: To systematically investigate the influence of heat stress on protein expression of porcine granulosa cells, isolated porcine granulosa cells were treated at 37 ℃ (control group) and 41 ℃ (heat stress group) *in vitro*. Subsequently, isobaric tags for relative and absolute quantification (iTRAQ) technique was used to analyze differentially expressed proteins in cells, and all the differentially expressed proteins were further analyzed by GO functional annotation and KEGG pathway analysis. The results showed that, a total of 5 451 proteins were identified, in which 289 were differentially expressed proteins. Among the differentially expressed proteins, 162 were up-regulated and 127 were down-regulated. Results of KEGG pathway analysis on the screened differentially expressed proteins showed that, they mainly gathered into signal pathways such as protein processing, endocytosis, RNA degradation, oxidative phosphorylation, purine metabolism, ubiquitin mediated proteolysis, biosynthesis of secondary metabolites, glycolysis/gluconeogenesis and intercellular tight junction. The results indicated that, the differentially expressed proteins and their enriched pathways may be involved

in the process in which porcine granulosa cells functions were influenced by heat stress. Therefore, the results of this study can provide reference for in-depth understanding of the molecular mechanisms for heat stress-induced porcine reproductive failure.

Key words: isobaric tags for relative and absolute quantification (iTRAQ); pig; heat stress; granulosa cell

收稿日期: 2022-01-24

基金项目: 宿迁市自然科学基金项目(K202108); 江苏省自然科学基金项目(BK20211140)

作者简介: 王泽平(1995-), 女, 安徽宿州人, 硕士, 研究实习员, 主要从事动物疫病病理与生物防治研究。(E-mail) 779039471@qq.com

通讯作者: 李 辉, (E-mail) lhlydk@126.com

猪的皮肤较厚,皮下脂肪含量高且汗腺不发达,故调节体温能力相对较差。研究表明,猪最适温度为 $12\sim 21\text{ }^{\circ}\text{C}$ ^[1],当环境温度由 $18\text{ }^{\circ}\text{C}$ 升至 $29\text{ }^{\circ}\text{C}$ 时,猪体温将从 $34.6\text{ }^{\circ}\text{C}$ 升至 $37.4\text{ }^{\circ}\text{C}$ ^[2],而直肠温度将从 $39.2\text{ }^{\circ}\text{C}$ 升高至 $40.0\text{ }^{\circ}\text{C}$ ^[3]。因此当外界气温超过 $27\text{ }^{\circ}\text{C}$ 时,母猪体温也将被动升高而产生热应激^[4],并对猪机体造成不良影响。以母猪为例,当受到热应激时可表现出发情不明显、乏情或短促发情等症状,经产母猪断奶 7 d 内发情率显著降低,而后备母猪则表现出初情期推迟等现象^[5-6]。夏秋时节,中国大部分地区的气温超过 $30\text{ }^{\circ}\text{C}$,因此母猪受到热应激是夏秋季节造成中国养猪业受损的重要因素,随着全球变暖,热应激的影响将更加严重。然而,目前人们对热应激影响母猪繁殖性能的机制并不清楚。

颗粒细胞介于膜细胞和卵母细胞之间,是体内唯一与卵母细胞直接接触的体细胞。它们可以通过分泌类固醇类激素、供给卵母细胞营养物质、接收并传递信号等方式参与维持卵泡发育、促进卵母细胞成熟和诱导排卵等过程。颗粒细胞功能受损将影响动物卵泡发育和繁殖活动^[7]。养殖过程中,动物常常受到一些因素的影响,导致颗粒细胞功能紊乱,主要表现在类固醇激素分泌能力下降、细胞增殖抑制/凋亡、黄体化受阻等^[8-10],其直接后果是抑制动物的繁殖性能,最终影响畜牧业的健康发展。遗憾的是,目前关于热应激直接影响颗粒细胞的研究相对较少且大多从单一角度或者在某一点上展开研究,例如,前人研究发现热应激可抑制颗粒细胞中促卵泡素受体(FSHR)表达,并促进细胞凋亡^[11]。我们前期研究也发现热应激处理猪颗粒细胞可显著抑制雌激素的分泌,造成热休克蛋白 HSP70 表达量上调^[9, 12]。总体而言,目前在热应激影响卵泡颗粒细胞功能方面缺乏系统性、整体性的认识。为解决该问题,本研究拟先解析热应激对猪颗粒细胞蛋白质表达谱的影响。

1 材料与方法

1.1 试验材料

将在屠宰场取的猪卵巢,放置于装有 $37\text{ }^{\circ}\text{C}$ 生理盐水(预先加入 1%青霉素/链霉素)的保温瓶中尽快拿回实验室处理。在实验室超净台中清洗消毒卵巢,擦净残留液体后,选取直径大于 5 mm 卵泡,用一次性注射器抽取其卵泡液,并利用 Ficoll-Paque 梯

度离心法分离出颗粒细胞^[13]。分离出的细胞经多次清洗后用 DMEM/F12 培养液(含 10%胎牛血清、1%青霉素/链霉素)稀释后接种于 6 孔板中,并置于 $37\text{ }^{\circ}\text{C}$,含有 5% CO_2 、95%空气的培养箱中持续静止培养 24 h 后,用温热的无 Ca^{2+} 、 Mg^{2+} 的磷酸盐缓冲溶液(PBS)清洗 2~3 次,洗掉未贴壁细胞,更换新的 DMEM/F12 培养液(含 10%胎牛血清、1%青霉素/链霉素)后进行后续处理。

1.2 热应激处理

将获得的细胞随机分为 2 组。一组为对照组,将细胞放入 $37\text{ }^{\circ}\text{C}$ 的细胞培养箱中培养 3 h;另一组作为热应激组,将细胞放入 $41\text{ }^{\circ}\text{C}$ 的细胞培养箱中培养 3 h。处理结束后,用温热的无 Ca^{2+} 、 Mg^{2+} 的 PBS 彻底清洗细胞,确保无培养基残留,然后将细胞刮下备用。所有试验重复 3 次。

1.3 蛋白质的提取及定量

收集的细胞按照蛋白质组学的标准流程进行处理。处理过程简述如下:细胞沉淀先用四乙基溴化铵缓冲溶液(TEAB)溶解;裂解后的初始蛋白质溶液经超声破碎后离心并收集上清液,弃掉细胞碎片。在收集的上清液中加入 4 倍体积的预冷丙酮[含有 10 mmol/L 的二硫苏糖醇(DTT)],充分混匀后放置在 $4\text{ }^{\circ}\text{C}$ 冰箱中静置 2 h,蛋白质沉淀逐渐析出后通过离心将蛋白质沉淀收集至管底,再用预冷丙酮(含 10 mmol/L 的 DTT)清洗蛋白质沉淀后进行干燥。最终用四乙基溴化铵(TEAB)溶解蛋白质沉淀,并对蛋白质进行定量。

1.4 蛋白质样品酶解、脱盐及标记

选取一定质量的蛋白质溶液,调整体积后用 NH_4HCO_3 (50 mmol/L)进行稀释,加入胰蛋白酶溶液,置于 $37\text{ }^{\circ}\text{C}$ 培养箱中酶解过夜。酶解结束后将酶解液进行脱盐处理;脱盐后的蛋白质按照试剂盒说明书进行标记。标记结束后在所有标记样本中取相同体积进行混合,准备上机分离。

1.5 蛋白质样品组分分离及液相色谱-质谱/质谱(LC-MS/MS)检测

将上述混合后的样本用 Thermo DINOEX Ultimate 3000 BioRS 分成 12 个组分,并利用 AB SCIEX nano LC-MS/MS(Triple TOF 5600 plus)对每个组分依次进行质谱检测。

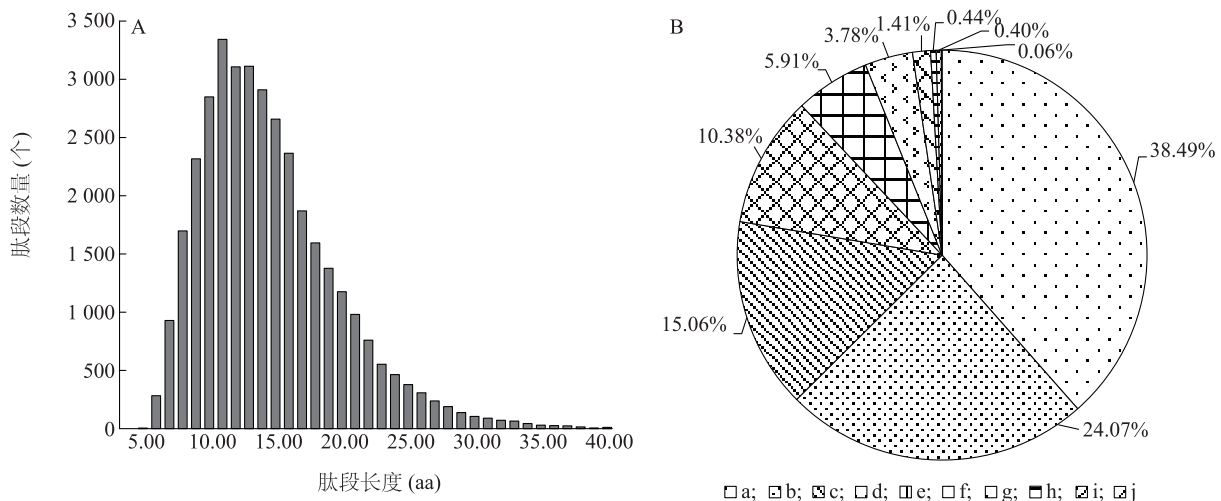
1.6 蛋白质的鉴定、差异表达蛋白质的功能注释和通路分析

以可信度 95%为标准对所得的肽段进行筛选,

可信度大于 95% 的肽段用搜索引擎 ProteinPilot™ V4.5 进行搜索。当差异表达倍数 ≥ 1.5 倍(即上调 ≥ 1.5 倍或下调 ≤ 0.67 倍)且 P 值 ≤ 0.05 时,视为显著差异表达蛋白质,并利用在线分析系统 BLAST2GO (<http://www.Blast2GO.com/>) 对所有差异表达蛋白质进行 GO 功能注释,随后利用通路数据库 KEGG 进行通路分析。

2 结果与分析

2.1 热应激后猪颗粒细胞的蛋白质总体鉴定情况 利用同位素标记相对和绝对定量(iTRAQ)技术



A: 肽段长度分布; B: 蛋白质鉴定覆盖度分布。a: 0~10.0%; b: 10.1%~20.0%; c: 20.1%~30.0%; d: 30.1%~40.0%; e: 40.1%~50.0%; f: 50.1%~60.0%; g: 60.1%~70.0%; h: 70.1%~80.0%; i: 80.1%~90.0%; j: 90.0%~100.0%。

图1 肽段长度分布和蛋白质覆盖度

Fig.1 Distribution of peptides length and protein sequence coverage

2.2 差异表达蛋白质分析

通过对热应激处理的猪颗粒细胞中蛋白质表达的分析,共鉴定到 289 个差异表达蛋白质,其中上调表达蛋白质 162 个,下调表达蛋白质 127 个(部分差异表达蛋白质见表 1 和表 2)。从表 1 中可以看出,热休克蛋白 HSP70、HSP90 等与热应激相关的标志性蛋白质上调表达。这些蛋白质的上调表达也可被视为热应激处理成功的标志。同时,肽基脯氨酸顺反异构酶、钙网蛋白、钙调蛋白等蛋白质上调表达(表 1)。而组蛋白 H4、载脂蛋白 E、芳香化酶 3、雌二醇 17 β -脱氢酶、三磷酸腺苷合成酶 α 亚基等蛋白质表达显著下调(表 2)。

我们进一步对对照组和热应激组样品的分析结果进行聚类分析,从图 2 可以看出,3 个生物学

对受热应激处理的猪颗粒细胞的蛋白质进行定量分析,共鉴定到 5 451 个蛋白质。鉴定肽段数为 35 936 个,其中至少包含 2 个 Unique 肽段的蛋白质数为 4 448 个。本研究鉴定到的肽段的长度主要分布在 7.00~20.00 aa,其中大多数肽段的长度为 11.00 aa,平均长度为 14.57 aa,处于肽段长度合理范围(图 1A)。对可信度 $\geq 95\%$ 的肽段覆盖度分布的分析结果显示,覆盖度介于 0~10.0% 的蛋白质数量占总鉴定蛋白质数量的 38.49% (图 1B)。

重复之间重复性良好,且差异表达蛋白质的聚类清晰。

2.3 差异表达蛋白质的直系同源簇(COG)注释

为预测和系统了解所鉴定到的蛋白质的潜在生物学功能,我们对所有鉴定到的蛋白质与 COG 数据库进行了比对分析和分类统计。图 3 是本次鉴定结果比对到 COG 数据库的统计结果。

2.4 差异表达蛋白质的 GO 分类和 KEGG 分析

为解析差异表达蛋白质的生物学功能,本研究对所有的差异表达蛋白质进行了注释。如图 4 所示,本研究所鉴定到的差异表达蛋白质参与了细胞过程、代谢过程、生物调控、应激反应等相关功能的调控。

表 1 部分上调表达的差异蛋白质

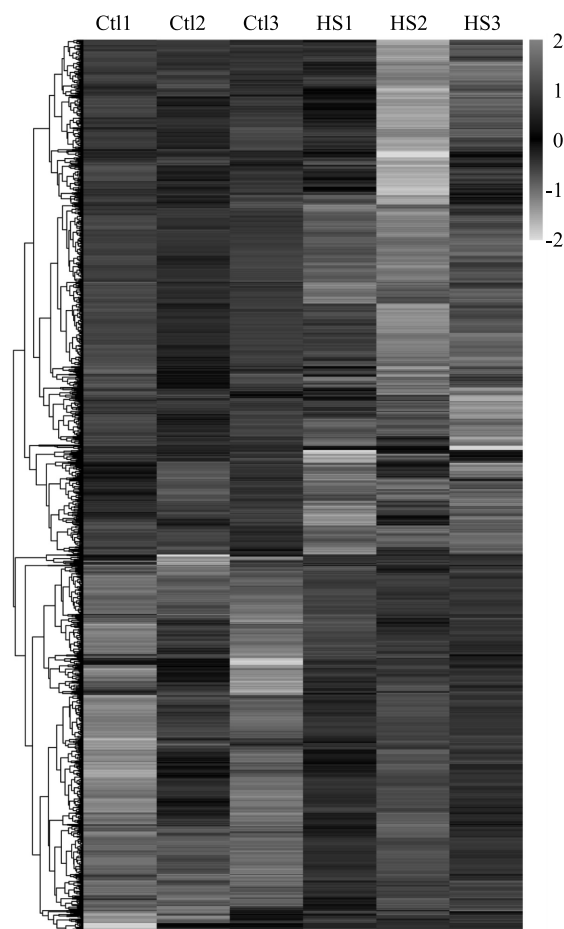
Table 1 Part of the up-regulated differentially expressed proteins

蛋白质编号	蛋白质名称	上调倍数	P 值
tr F2Q9A3	肽基脯氨酸顺反异构酶	5.649	0.041
sp P28491 CALR	钙网蛋白	5.346	0
sp Q2YGT9 RL6	60 S 核糖体蛋白 L6	4.446	0.042
tr A5A8V6	热休克蛋白 70 A	4.207	0
tr F1S543	钙调蛋白	3.908	0.009
tr A0A0B8RZA8	多聚腺苷二磷酸核糖聚合酶	3.664	0
tr F2Z594	高迁移率族蛋白 B1	3.531	0.001
tr K9IVQ3	含非 POU 域八聚体结合蛋白质	3.404	0.025
tr G9F6X8	蛋白质二硫键异构酶	3.342	0.001
tr A0A0B8S002	锯齿状 RNA 效应分子	2.911	0.003
tr F2Z578	组蛋白 H2B	2.884	0.022
tr F1SHL9	丙酮酸激酶	2.858	0
sp Q007T2 CDC42	人细胞分裂周期因子 42	2.704	0.018
tr F1RS36	78 000 葡萄糖调节蛋白	2.679	0
tr F1S2E2	膜联蛋白	2.655	0.032
sp P10668 COF1	丝切蛋白 1	2.655	0.039
tr F1RFQ7	GTP 结合核蛋白 Ran	2.582	0.002
sp Q29092 ENPL	内质网素	2.582	0.017
tr A0A0B8RT23	拓扑异构酶(DNA)I	2.559	0.005
tr M3TYF6	Vac-14 样蛋白质	2.489	0.009
tr A0A0B8RSY9	烯醇酶 1	2.489	0
tr A0A0B8RVP0	鸟苷酸解离抑制因子	2.466	0.008
tr F2Z5C7	40 S 核糖体蛋白 S3a	2.377	0.002
tr D0G6R9	CCHC 型锌指蛋白	2.333	0.044
tr D0G6Y0	17- β 羟基类固醇脱氢酶 12	2.333	0.043
tr Q0PY11	延伸因子 1 α	2.312	0
tr A0A0B8RVM5	布罗莫结构域 1	2.291	0.008
tr Q0R678	DJ-1 蛋白	2.270	0.013
tr I3LIM2	尿苷二磷酸葡萄糖脱氢酶	2.270	0.020
tr D0G0C6	天冬酰胺合成酶	2.249	0.011
tr F1S232	γ -氨基丁酸醛脱氢酶	2.249	0.002
tr K9IVW4	肌营养素	2.228	0.030
tr M3TYC1	真核生物翻译起始因子 3	2.128	0.037
tr K9IW80	烟酰胺核苷酸转氨酶	2.128	0.009
sp P17741 HMGB2	高迁移率族蛋白 B2	2.051	0.014
tr F1SK00	异柠檬酸脱氢酶,线粒体	2.032	0.028
sp P00339 LDHA	L-乳酸脱氢酶 A 链	2.014	0.025
tr A0A0B8RSP3	输入蛋白质 α 亚基	1.995	0.026
tr F1S3P6	结缔组织生长因子	1.977	0
tr F6Q5P0	40 S 核糖体蛋白 S13	1.959	0.026
sp O02705 HS90A	热休克蛋白 90 α	1.941	0
sp Q2YGT9 RL6	60 S 核糖体蛋白 L6	1.888	0.048
tr A0A0B8RZN4	胞内氯离子通道蛋白	1.888	0.021
tr Q684M6	细胞分裂周期蛋白 37	1.888	0.037

表 2 部分下调表达的差异蛋白质

Table 2 Part of the down-regulated differentially expressed proteins

蛋白质编号	蛋白质名称	下调倍数	P 值
sp P62802 H4	组蛋白 H4	0.196	0
tr F1RM45	载脂蛋白 E	0.215	0.018
sp P80272 HMG2	非组蛋白染色体蛋白 HMG-17	0.217	0.016
tr A0A0A7HF29	DEAD 解旋酶 5	0.225	0.006
sp Q3ZD69	核纤层蛋白 A/C	0.231	0.001
tr F1RJ93	转胶蛋白	0.239	0.043
sp Q29197 RS9	40 S 核糖体蛋白 S9	0.265	0.002
sp P79304 CP193	芳香化酶 3	0.271	0.007
tr A0A0B8RTE0	B 淋巴细胞白血病前体蛋白转录因子 1	0.286	0.017
tr K9IVC9	Fas 相关因子 1	0.291	0.045
tr C0MHR2	网格蛋白重链	0.313	0
sp P00506 AATM	天冬氨酸氨基转移酶, 线粒体	0.341	0
sp P63246 GBLP	鸟嘌呤核苷酸结合蛋白 β 亚基 2	0.344	0.004
tr I3LR69	铁蛋白	0.349	0.049
tr D2D0D8	磷酸化乙酰辅酶 A 羧化酶 α	0.354	0.009
sp P12026 ACBP	乙酰辅酶 A 结合蛋白	0.356	0.008
tr K9IWF9	含 iq 基元 <i>gtp</i> 酶激活蛋白 1	0.398	0.011
tr F1RQ91	40 S 核糖体蛋白 S4	0.421	0.029
tr M3UZA8	丝氨酸/苏氨酸激酶 3 <i>tl</i>	0.441	0.047
tr K7GQ60	驱动蛋白样蛋白质	0.449	0.049
sp Q6PQD5 ATM	丝氨酸蛋白激酶 <i>ATM</i>	0.466	0.028
tr Q2TJA5	醛酮还原酶	0.479	0.032
tr F1RPS8	三磷酸腺苷合成酶 α 亚基	0.479	0.030
tr Q28956	雌二醇 17 β -脱氢酶	0.483	0.049
tr K9J4M6	腺苷酸脱氨酶, RNA 特异性	0.492	0.015
sp A5D9M6 BAG6	大号富含脯氨酸蛋白 BAG6	0.497	0.006
sp P08059 G6P1	葡萄糖-6-磷酸异构酶	0.506	0.032
tr F1RKU0	异柠檬酸脱氢酶亚基, 线粒体	0.506	0.043
tr K9IVL7	低密度脂蛋白受体相关蛋白 1	0.529	0.005
tr I1SNT7	连环蛋白 β 样蛋白	0.529	0.005
tr A0A0B8RVD8	波形蛋白	0.549	0.009
tr K9IVP5	N-肌球蛋白-9	0.559	0
sp Q9TSX9 PRDX6	硫氧还蛋白过氧化物酶-6	0.565	0.044
tr K9IVL0	E3 泛素蛋白连接酶 <i>UBR5</i>	0.567	0.046
tr B2ZF47	线粒体乙醛脱氢酶 2	0.575	0.004
tr F1SPG2	细胞死亡防卫蛋白 1	0.581	0.018
tr E3VWG5	干扰素诱导蛋白	0.586	0.041
tr M3VH61	葡萄糖磷酸变位酶 2	0.592	0.042
tr Q28936	纤维蛋白原 A- α 链	0.603	0.014
tr B6DZ39	接头蛋白	0.643	0.008
tr A0A0B8RTE4	氧化应激反应蛋白 1	0.649	0.038



Ctl:对照;HS:热应激。

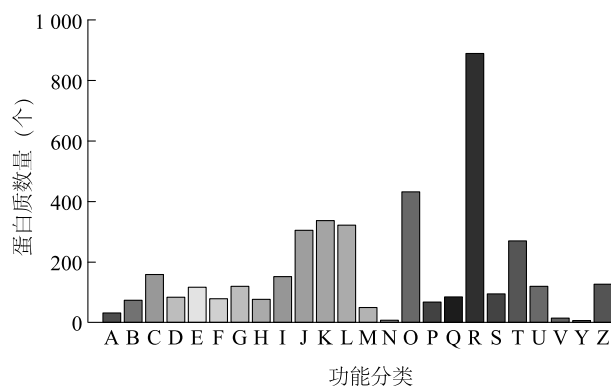
图2 猪颗粒细胞受热应激过程中差异表达蛋白质的聚类分析

Fig.2 Clustering results of differentially expressed proteins in porcine granulosa cells during heat stress

为进一步了解差异表达蛋白质所富集的通路,进行了 KEGG 通路分析。如图 5 所示,表达量上调的蛋白质主要富集在剪接体以及内质网的蛋白质加工、代谢通路、胞吞、RNA 降解和氧化磷酸化等信号通路中。而下调表达蛋白质则显著富集在代谢通路、次级代谢产物的生物合成、嘌呤代谢、泛素化蛋白质降解、糖酵解/糖异生以及胞间紧密连接等信号通路中。

3 讨论

热应激可导致雌性动物短促发情或乏情、降低受胎率、早期胚胎死亡和流产等问题^[12]。前人研究发现,热应激可经下丘脑-垂体-性腺轴对动物的内分泌产生不良影响进而造成上述问题^[14]。热应激导致动物内分泌紊乱主要表现在性激素[促性腺激



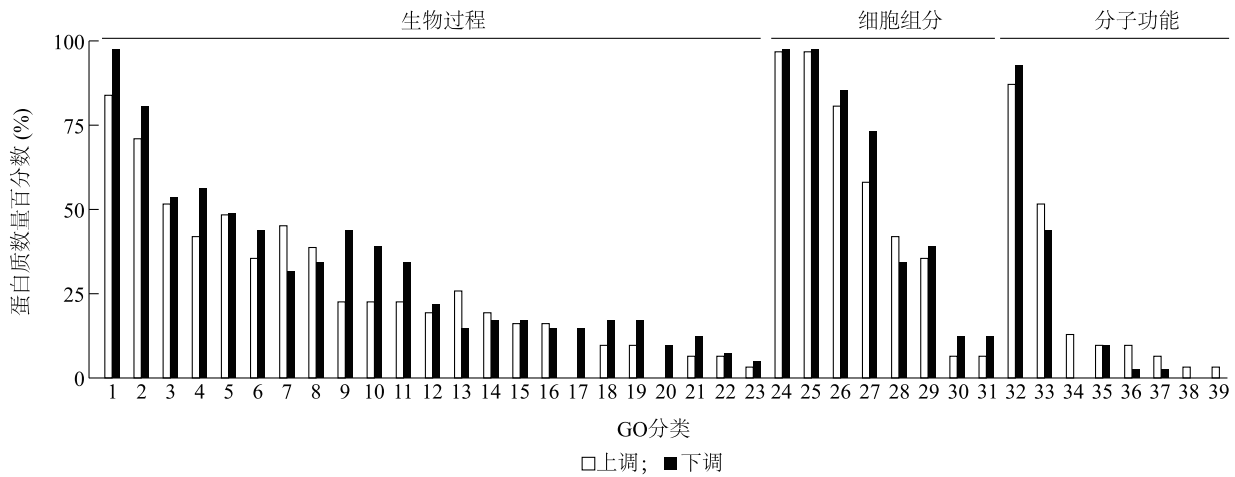
A:RNA 加工和修饰;B:染色质结构和动态变化;C:能量产生和变化;D:细胞周期控制,细胞分裂,染色体分割;E:氨基酸运输和代谢;F:核苷酸转移和代谢;G:碳水化合物转移和代谢;H:辅酶转移和代谢;I:脂类转移和代谢;J:翻译,核糖体结构和生物发生;K:转录;L:复制,重组和修复;M:细胞壁/膜/壳生成;N:细胞运动;O:转录后修饰,蛋白质折叠,分子伴侣;P:无机盐离子转运和代谢;Q:次级代谢产物生成,转运和代谢;R:功能预测;S:未知功能;T:信号转导机制;U:胞内交通,分泌和微囊转运;V:防御机制;Y:核结构;Z:细胞骨架。

图3 蛋白质的直系同源簇注释分析

Fig.3 COG annotation analysis of proteins

素释放激素(GnRH)、促卵泡激素(FSH)和促黄体激素(LH)等]分泌量下降、抑制促性腺激素受体基因的表达^[15-17]等。此外,通过下丘脑-垂体-性腺轴,热应激还可调控其他激素的分泌,例如抑制促甲状腺激素^[18]、甲状腺激素^[19]以及促肾上腺皮质激素释放激素^[20]等激素的合成和分泌,从而增加肾上腺皮质激素分泌量,造成黄体提早溶解,引起早期胚胎死亡或流产^[21]。

热应激通过下丘脑-垂体-性腺轴对颗粒细胞功能产生影响,是其重要的内分泌调控路径。然而,就颗粒细胞所处的位置来讲,其位于动物腹腔最深处,受热应激时,猪机体深处的体温,即核心体温显著升高^[22],升高的核心温度必然直接作用于颗粒细胞而影响其功能。遗憾的是,当前对于热应激直接影响颗粒细胞的研究较少。因此本研究通过体外培养的方式,将颗粒细胞所处的卵泡微环境、下丘脑-垂体-性腺轴以及内分泌环境的影响剥离,纯粹在细胞水平上对热应激调控颗粒细胞功能的分子机理开展研究。我们前期在体外模拟了颗粒细胞受到热应激的状态:将颗粒细胞分别在 37℃(对照组)和 41℃(热应激组)培养箱中培养,结果发现,颗粒细胞合成雌激素和孕酮的能力随着温度的升高显著下降,



1:细胞过程; 2:代谢过程; 3:生物调控; 4:应激反应; 5:生物过程调控; 6:细胞组分配置或生物发生; 7:发育过程; 8:多细胞生物过程; 9:定位; 10:定位建立; 11:信号; 12:死亡; 13:免疫系统过程; 14:正调控生物过程; 15:负调控生物过程; 16:细胞增殖; 17:运动; 18:繁殖; 19:繁殖过程; 20:多物种过程; 21:生长; 22:病毒繁殖; 23:生物黏附; 24:细胞; 25:细胞组分; 26:细胞器; 27:细胞器组分; 28:大分子复合物; 29:膜封闭腔; 30:胞外域; 31:部分胞外域; 32:结合; 33:催化活性; 34:结构分子活动; 35:转运活性; 36:能量调控活性; 37:蛋白质结合转录因子活性; 38:抗氧化活性; 39:受体调控活性。

图 4 差异表达蛋白质的 GO 功能注释结果

Fig.4 GO function annotation results of differentially expressed proteins

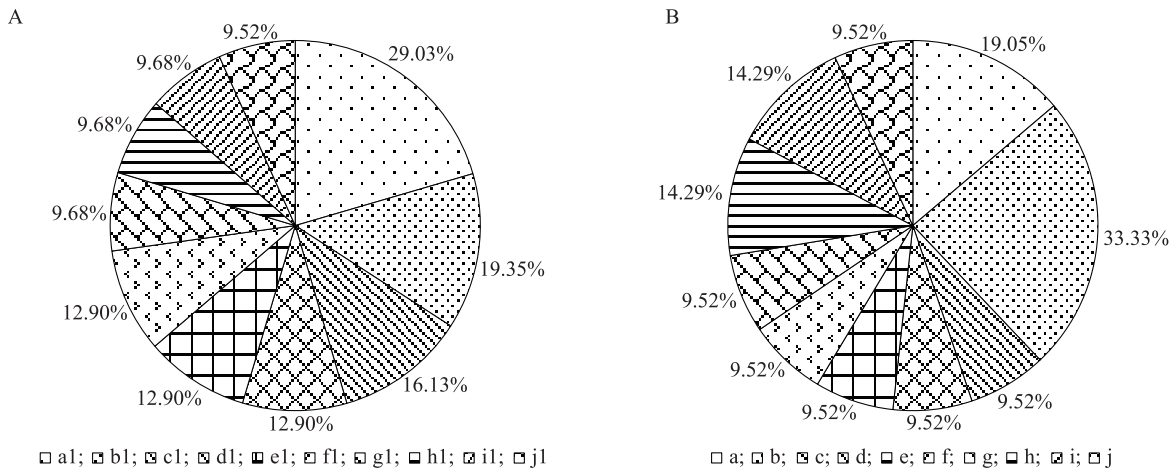


图 5 差异表达蛋白质的 KEGG 通路分析结果

Fig.5 KEGG pathway analysis results of differentially expressed proteins

且与之相关的 *CYP11A1*、*CYP19A1* 和 *FSHR* 基因表达量显著下调,但 *HSP70* 的表达量显著上调^[9]。上述结果说明热应激可直接对颗粒细胞的功能产生影响。

为深入了解热应激对猪卵泡颗粒细胞功能的影响,并最终为解决受热应激的母猪繁殖性能降低的

问题提供理论依据,本研究利用 iTRAQ 技术对受热应激处理的猪颗粒细胞的蛋白质表达差异进行了系统研究,共鉴定到5 451个蛋白质。这是目前已鉴定到的相对较多的猪卵泡颗粒细胞蛋白质组表达谱,并筛选出了 289 个差异表达蛋白质,其中上调表达蛋白质 162 个,下调表达蛋白质 127 个。通过对

这些差异表达蛋白质的 GO 分类和 KEGG 通路分析,初步阐明其分类属性和富集的功能通路。我们推测这些差异表达蛋白质在细胞抵抗热应激和减轻热应激对细胞造成损伤方面起到重要作用。例如,热休克蛋白 HSP70 和 HSP90 是细胞受热应激的标志性蛋白质,作为分子伴侣,它们参与蛋白质折叠,在抵御不利因素造成的应激或凋亡过程中发挥了重要作用^[23],其表达量的升高也标志着细胞正在抵御热应激带来的损害^[24]。

在对差异表达蛋白质富集的 KEGG 通路分析中我们发现了参与内质网蛋白质加工、RNA 降解以及氧化磷酸化等过程的重要通路,说明这些通路的激活参与颗粒细胞抵抗热应激的过程。以氧化磷酸化为例,该过程是还原型烟酰胺腺嘌呤二核苷酸(NADH)通过氧化制造细胞代谢的重要能量载体——三磷酸腺苷(ATP)的过程^[25],其详细过程为:电子经电子传递链从供体转移至载体上,最后传递到受体,同时释放能量以便 ATP 的合成^[26]。Yin 等^[27]也发现热应激处理可促进卵丘颗粒细胞中 ATP 的合成,在我们前期研究中发现脂多糖(LPS)处理亦可上调猪颗粒细胞中 ATP 的合成^[28]。这些结果充分说明,细胞提高胞内 ATP 的合成可能是为了抵御受到的不良刺激。然而合成的 ATP 如何参与抵御不良刺激,目前尚不清晰,这需要通过进一步的研究加以阐明。

4 结 论

本研究利用 iTRAQ 技术对受热应激处理的猪颗粒细胞的蛋白质表达谱进行了研究,初步筛选出 289 个差异表达蛋白质,并分别富集到蛋白质的泛素化降解、蛋白质加工、胞吞、RNA 降解、氧化磷酸化、嘌呤代谢、次生代谢产物的生物合成、糖酵解以及胞间紧密连接等信号通路中,也预示这些差异表达蛋白质和信号通路参与了热应激对猪颗粒细胞功能影响的过程。

参考文献:

- [1] 袁雄坤,姜丽丽,陶诗煜,等. 母猪热应激敏感指标体系的研究进展[J]. 中国农业科学, 2020, 53(22):4691-4699.
- [2] QUINIOU N, NOBLET J. Influence of high ambient temperatures on performance of multiparous lactating sows[J]. J Anim Sci, 1999, 77(8):2124-2134.
- [3] WILLIAMS, A M, SAFRANSKI T J, SPIERS D E, et al. Effects of a controlled heat stress during late gestation, lactation, and after weaning on thermoregulation, metabolism, and reproduction of primiparous sows[J]. J Anim Sci, 2013, 91(6):2700-2714.
- [4] DE R F, SCARAMUZZI R J. Heat stress and seasonal effects on reproduction in the dairy cow—a review[J]. Theriogenology, 2003, 60(6):1139-1151.
- [5] JOHNSTON L J, ELLIS M, LIBAL G W, et al. Effect of room temperature and dietary amino acid concentration on performance of lactating sows. NCR-89 Committee on Swine Management[J]. J Anim Sci, 1999, 77(7):1638-1644.
- [6] RENAudeau D, QUINIOU N, NORBLET J. Effects of exposure to high ambient temperature and dietary protein level on performance of multiparous lactating sows[J]. J Anim Sci, 2001, 79(5):1240-1249.
- [7] UYAR A, TORREALDAY S, SELI E. Cumulus and granulosa cell markers of oocyte and embryo quality[J]. Fertil Steril, 2013, 99(4):979-997.
- [8] GUAN, H Y, HE X X, CHEN X Y, et al. Toll-like receptor 4 inhibits estradiol secretion via NF- κ B signaling in human granulosa Cells[J]. Front Endocrinol (Lausanne), 2021, 12: 629554-629565.
- [9] LI H, GUO S S, CAI L P, et al. Lipopolysaccharide and heat stress impair the estradiol biosynthesis in granulosa cells via increase of HSP70 and inhibition of smad3 phosphorylation and nuclear translocation[J]. Cell Signal, 2017, 30:130-141.
- [10] QU X, YAN L Y, GUO R H, et al. ROS-induced GATA4 and GATA6 downregulation inhibits StAR expression in LPS-treated porcine granulosa-lutein Cells[J]. Oxid Med Cell Longev, 2019, 2019:792-802.
- [11] SHIMIZU T, OHSHIMA I, MANABU O, et al. Heat stress diminishes gonadotropin receptor expression and enhances susceptibility to apoptosis of rat granulosa cells[J]. Reproduction, 2005, 129(4):463-472.
- [12] 果双双. LPS 和热应激对猪颗粒细胞的影响及 HSP70 参与调控机制的研究[D]. 泰安:山东农业大学, 2016.
- [13] 曲小露,施振旦,李 辉. 一种优化的猪卵泡颗粒细胞分离方法及验证[J]. 江苏农业科学, 2019, 47(23):190-194.
- [14] HUBER E, NOTARO U S, RECCE S, et al. Fetal programming in dairy cows: effect of heat stress on progeny fertility and associations with the hypothalamic-pituitary-adrenal axis functions[J]. Anim Reprod Sci, 2020, 216:106348-106356.
- [15] SIROTKIN A V, BAUER M. Heat shock proteins in porcine ovary: synthesis, accumulation and regulation by stress and hormones[J]. Cell Stress Chaperones, 2011, 16(4):379-387.
- [16] WOLFENSON D, LEW B J, THATCHER W W, et al. Seasonal and acute heat stress effects on steroid production by dominant follicles in cows[J]. Anim Reprod Sci, 1997, 47(1/2):9-19.
- [17] WOLFENSON D, SONEGO H, BLOCH A, et al. Seasonal differences in progesterone production by luteinized bovine thecal and granulosa cells[J]. Domest Anim Endocrinol, 2002, 22(2):81-

- 90.
- [18] KAHL S, ELASASSER T H, RHOADS R P, et al. Environmental heat stress modulates thyroid status and its response to repeated endotoxin challenge in steers[J]. *Domest Anim Endocrinol*, 2015, 52:43-50.
- [19] KAMAL R, TRIVENI D, MANJUNATH P, et al. Heat stress and effect of shade materials on hormonal and behavior response of dairy cattle: a review[J]. *Trop Anim Health Prod*, 2018, 50(4): 701-706.
- [20] MCBRIDE M L, SANCHEZ N C, CARROLL J A, et al. Response to adrenocorticotrophic hormone or corticotrophin-releasing hormone and vasopressin in lactating cows fed an immunomodulatory supplement under thermoneutral or acute heat stress conditions[J]. *J Dairy Sci*, 2020, 103(7):6612-6626.
- [21] MALOYAN A, HOROWITZ M. beta-Adrenergic signaling and thyroid hormones affect HSP72 expression during heat acclimation[J]. *J Appl Physiol*, 2002, 93(1):107-115.
- [22] JOHNSON J S, FERNANDEZ M V, SEIBERT J T, et al. *In utero* heat stress increases postnatal core body temperature in pigs[J]. *J Anim Sci*, 2015, 93(9):4312-4322.
- [23] VIRANT-KLUN I, BACER-KERMAVNER L, TOMAZEVIC T, et al. Slow oocyte freezing and thawing in couples with no sperm or an insufficient number of sperm on the day of *in vitro* fertilization[J]. *Reprod Biol Endocrinol*, 2011, 9:19-27.
- [24] VABULAS R M, RAYCHAUDHURI S, HAYER-HARTL M, et al. Protein folding in the cytoplasm and the heat shock response[J]. *Cold Spring Harb Perspect Biol*, 2010, 2(12):4390-4408.
- [25] SOKOLOV S S, BALAKIREVA A V, MARKOVA O V, et al. Negative feedback of glycolysis and oxidative phosphorylation: mechanisms of and reasons for it[J]. *Biochemistry (Mosc)*, 2015, 80(5):559-564.
- [26] RIGOULET M, BOUCHEZ C L, PAUMARD P, et al. Cell energy metabolism: an update[J]. *Biochim Biophys Acta Bioenerg*, 2020, 1861(11):276-286.
- [27] YIN C, LIU J, HE B, et al. Heat stress induces distinct responses in porcine cumulus cells and oocytes associated with disrupted gap junction and trans-zonal projection colocalization[J]. *J Cell Physiol*, 2019, 234(4):4787-4798.
- [28] QU X, GUO S S, YAN L Y, et al. TNF α -Erk1/2 signaling pathway-regulated SerpinE1 and SerpinB2 are involved in lipopolysaccharide-induced porcine granulosa cell proliferation[J]. *Cell Signal*, 2020, 73:702-713.

(责任编辑:陈海霞)